

MODELE CURRICULUM VITAE

(* à renseigner obligatoirement – CV à renvoyer en pdf)

Etat civil

- Nom de naissance * CHIAPELLO
- Nom d'usage
- Prénom* Hélène

Situation à l'Académie :

- Elu correspondant en 2025*
- Section Sciences de la vie (S6)
- Groupe de travail * (à indiquer)
- Fonction exercée Ingénieure de Recherches INRAE *

Rubriques à renseigner :

Titre* ou Situation actuels* Ingénieure de Recherches INRAE en génomique et bioinformatique microbiennes

Coordonnées :

- Professionnelles* Université Paris-Saclay, INRAE, MaIAGE, 78350, Jouy-en-Josas, France
- Région de rattachement* Ile de France
- N° téléphone autre 01 34 65 28 84
- Adresse e.mel professionnelle* helene.chiapello@inrae.fr

Formations*

- 2016 : **HDR de l'Université Toulouse 3** (Paul Sabatier), école doctorale SEVAB (Sciences Écologiques, Vétérinaires, Agronomiques & Bioingénieries). Analyse de la microévolution des génomes microbiens : approches bioinformatiques
- 1995-1999 : **Doctorat de Physiologie Cellulaire et Moléculaire des Plantes**, Université Pierre et Marie Curie (Paris VI)
- 1994-95 : **DEA de Biomathématiques**, Université Pierre et Marie Curie (Paris VI)
- 1990-91 : **DESS I.A.S.E. (Informatique Appliquée aux Sciences Expérimentales)** à l'Université Paul Sabatier (Toulouse 3) et à l'ENSAT (École Nationale Supérieure d'Agronomie de Toulouse)
- 1988-90 : **Licence et Maîtrise de Biochimie** à l'Université Pierre et Marie Curie (Paris VI)

Carrière (principaux postes occupés)*

- 2021 - : **Référente Données Stratégiques** du département **Microbiologie et Chaîne Alimentaire** (MICA) de INRAE
- 2018 – 2025 : Animatrice du CATI **Bioinformatics for Omics and metaOmics of Microbes** (BOOM)
- 2020 - 2023 : Membre du **comité de pilotage de l'Institut Français de Bioinformatique**
- 2017 - : Co-responsable des **actions de formation de l'Institut Français de Bioinformatique**

- 2017 - : **Ingénieure de Recherche en bioinformatique** à l'INRAE de Jouy-en-Josas, unité MaIAGE (Mathématiques et Informatique Appliquées du Génome à l'Environnement).
- 2016-2017 : Chargée de la **formation et du pilotage des réseaux métiers en ingénierie numérique** dans l'unité Ingenium (Ingénierie Numérique en Recherche) de l'Inra
- 2012-2015 : **Chargée de mission « animation/communication des maths-info » à l'Inra** pour le département Mathématiques et Informatique Appliquées (MIA, aujourd'hui MathNum) de l'Inra. Membre de l'équipe d'animation de la **cellule bioinformatique** de l'Inra
- 2012-2017 : **Ingénieure de Recherche en bioinformatique à l'Inra de Toulouse, unité MIAT (Mathématique & Informatique Appliquées de Toulouse).**
- 2009 : **Chargée de mission « rédaction scientifique et conduite de projet » dans le domaine des interactions Sciences-Société à l'Inra de Paris** : mission à mi-temps pendant 12 mois à la cellule ESCo (Expertise Scientifique Collective)
- 2000-2012 : **Ingénieure de Recherche en bioinformatique à l'Inra de Jouy-en-Josas, unité MIG (Mathématique, Informatique & Génome)**
- 1991-2000 : **Ingénieure d'Études en bioinformatique** au laboratoire de Biologie Cellulaire (aujourd'hui Institut Jean-Pierre Bourgin) de l'Inra Versailles

Domaines d'expertise (6 au maximum)* Génomique, Bioinformatique, Microbiologie, Formation, Science Ouverte, pilotage projet

Mots clés * génomique et bioinformatique microbienne, interdisciplinarité, évolution des compétences, projets transversaux innovants, ouverture des données, science & société

Distinctions et prix éventuels (nature et dates)

Fonctions actuelles ou récentes

Activités académiques ou professionnelles

Publications, Rapports ou Articles (10 maximum)

Activités éditoriales

Short Bio (anglais)

I am a bioinformatician in microbiology at the MaIAGE research unit of INRAE in Jouy-en-Josas.

My career at INRAE began in 1991 at Versailles in the field of plant genomics, in the context of the sequencing of the genome of a model plant, *Arabidopsis thaliana*.

After my doctoral thesis 1999, I joined the brand new MIG unit (Mathematics, Informatics & Genome) in the Microbiology and Food Chain department (MICA) and developed research projects in annotation and comparison of microbial genomes.

In 2012, I was affected to the mathematical and numerical sciences division's team as part of a cross-disciplinary activity involving the promotion and communication of numerical science and bioinformatics within the institute. In 2016 I defended my HDR at the University of Toulouse 3 and continued my research activities on microbial bioinformatics projects.

In 2017 I launched a new project on the annotation of conjugative-type mobile genetic elements in bacterial genomes in partnership with IceTea team of Dynamic unit in Nancy. I also took on responsibilities in a national context, as a member of the board of the French Bioinformatics Society (SFBI) in 2014 (and vice-president from 2017 to 2020) and co-responsible for training activities of the French Bioinformatics Institute (IFB), for which I was a member of the executive board from 2020 to 2023.

My research activities now focus on the analysis and characterization of microbial diversity within bacterial (meta)genomes and pangenomes. I am also currently being coordinating a groups of bioinformatics engineers and biostatisticians at INRAE and has recently been nominated data steward of the INRAE Microbiology and the Food Chain Division of INRAE. I continue my involvement in a number of cross-disciplinary microbial bioinformatics-related projects, particularly with regard to open science and the development of innovative training courses.